

CellKb

広範な細胞種マーカーデータベース

 シングルセルRNA-Seqデータ
 のアノテーション工程を簡単に
 scRNA-seqデータセットで迅速かつ正確な
 セルタイプアノテーションを作成するための
 手動でキュレートされたDB

高速かつ正確

遺伝子リストを入力すると
細胞種アノテーションが付けられます。

クラスター内の遺伝子リストをCellKbに入力すると高速計算され、細胞種アノテーションが付けられます。また、出版物のリストも表示され、ハイパーリンクからその文献へアクセスすることが可能です。

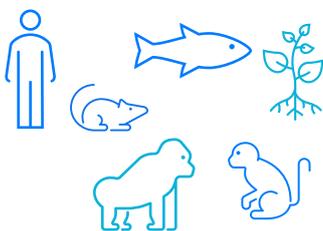
シングルセルRNA-seqおよび空間トランスクリプトームデータの各クラスターがどのような細胞種であるか調べることに役立ちます。

Ontology:	B cell (CL:0000236), bone marrow
Reliability:	-
FDR:	8.649e-78
Jaccard index:	0.4839
Correlation:	0.7473 (logfc)
Experiment:	Mouse Cell Atlas
Data:	GSE108097 (Gene expression)
Stage:	Adult

<input checked="" type="checkbox"/>	B cell
	Whole organism
<input type="checkbox"/>	B cell_Igkc high
	Bone_marrow
Cell Type	Top 10 Match
Ontology:	B cell (CL:0000236)
Reliability:	-
FDR:	8.649e-78

多彩な生物種、組織に対応

2024年10月26日時点で1,516件の出版物から収集された13種の6,013個セルタイプを示す105,848のマーカー遺伝子セットが含まれています。

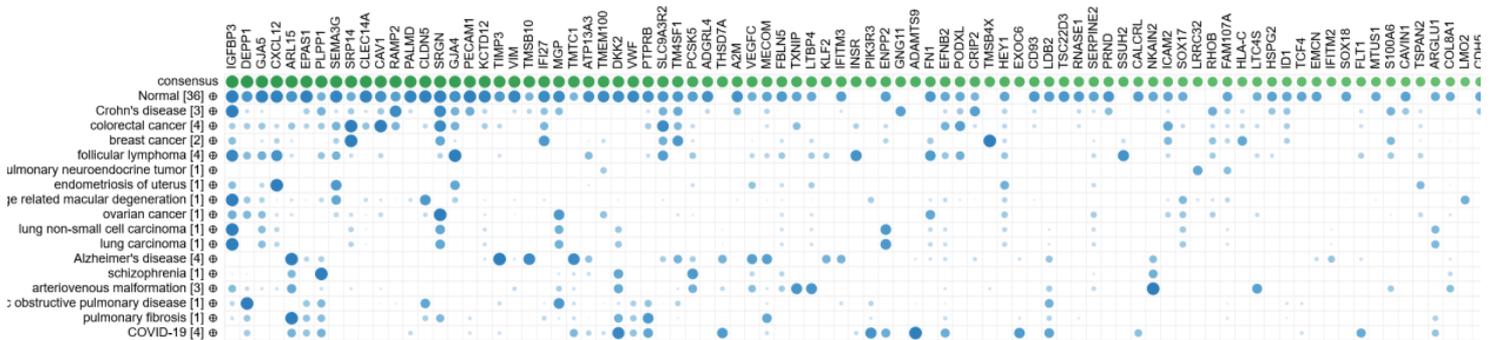


DBに含まれる生物種

Homo sapiens	Caenorhabditis elegans	Gorilla gorilla
Mus musculus	Macaca mulatta	Rattus norvegicus
Danio rerio	Callithrix jacchus	Arabidopsis thaliana
Drosophila melanogaster	Pan troglodytes	
Macaca fascicularis	Oryza sativa	

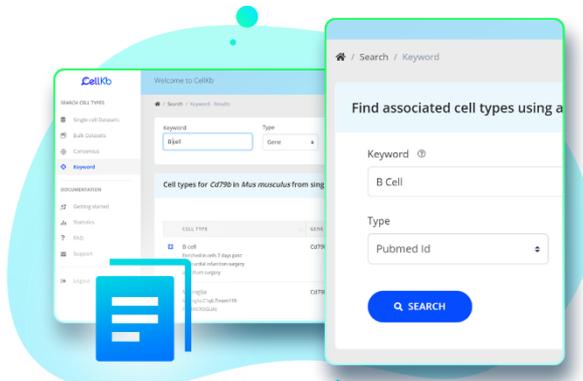
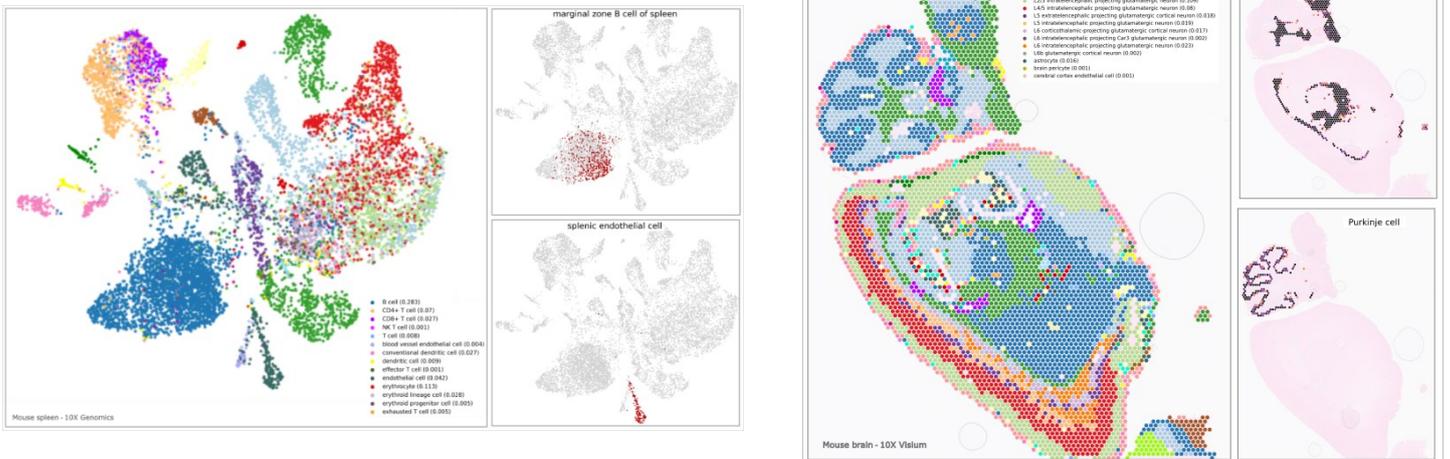
種間のコンセンサスシグネチャの比較

生物種、細胞種/解剖学的構造/疾患の任意の組み合わせを選択すると、種ごとのコンセンサスシグネチャで高度に発現しているオソログ遺伝子を比較するドットプロットを作成できます。これによりデータベース内で共通または固有のバイオマーカーの特定に役立ちます。*Enterpriseライセンス機能



アドオン

Enterpriseライセンスに専用アドオンを含めることで、Scanpyファイルを入力し、scRNA-seqデータ内の各細胞にアノテーションを付けることや Visiumデータのセグメントに対し、細胞種デコンボリューションを実行できます。また API 版の販売も行っております。



定期的な更新

継続的に更新されるため、最新の出版物の細胞種情報を使用してscRNA-seqデータセット内の細胞にアノテーションを付与できます。

製品紹介ページ
(フィルジェンHP)



フィルジェン 株式会社 **Filgen**
biosciences & nanosciences

【お問い合わせ】 バイオインフォマティクス部
TEL : 052-624-4388 FAX : 052-624-4389
URL : <https://filgen.jp/> E-mail : support@filgen.jp

代理店

(Nov.2024)