

ウイルス／細菌ゲノム配列解析ソフトウェア

DeepChek® Software MicrobioChek® Software



DeepChek® / MicrobioChek®ソフトウェアは、シーケンスデータから簡単にウイルスゲノムデータの解析、およびクリニカルレポートの作成を実行できるWebベースのアプリケーションです。HIVやHCVをはじめとする計7種類のウイルス／細菌に対応したモジュールが用意されており、必要に応じてカスタマイズが可能です。クラウドを利用して解析を行うため、ハイスpekクなコンピュータをご用意する必要はございません。

NGSデータに対応

DeepChek® / MicrobioChek®ソフトウェアは、NGSから出力されるFASTQファイルをアップロードするだけで、簡単に薬剤耐性情報などを含んだクリニカルレポートの作成が可能です。

◆アップロード可能なファイル◆

- FASTQファイル
- BAM/SAMファイル
- AB1ファイル
- テキストファイル



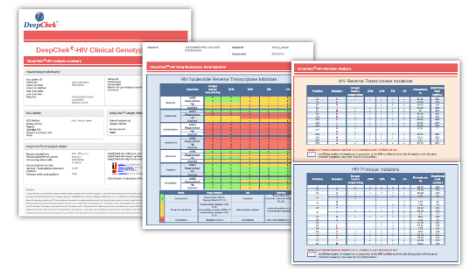
さまざまな微生物種に対応

◆解析可能な生物種◆

- HIV (ヒト免疫不全ウイルス)
- HCV (C型肝炎ウイルス)
- HBV (B型肝炎ウイルス)
- HPV (ヒトパピローマウイルス)
- CMV (サイトメガロウイルス)
- HSV (単純ヘルペスウイルス)
- CoV2 (新型コロナウイルス)
- TB (結核菌)

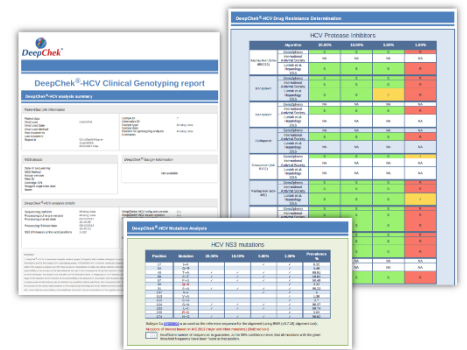
HIVモジュール

- ◆対応する領域
RT、PROT、INT、GP41、GP120/V3、全ゲノム
- ◆解析内容
サブタイピング、高解像度サブタイピング、アミノ酸変異検出、ヌクレオチド変異検出、NGS品質レポート、向性決定、薬剤耐性解析
- ◆参照可能なデータベース、ガイドライン
HIVdb/Stanford、ANRS、geno2pheno、Rega 他



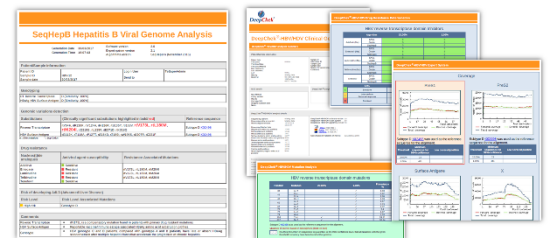
HCVモジュール

- ◆対応する領域
5'UTR、CORE、NS3、NS5A、NS5B
- ◆解析内容
サブタイピング、高解像度サブタイピング、アミノ酸変異検出、ヌクレオチド変異検出、NGS品質レポート、薬剤耐性解析
- ◆参照可能なデータベース、ガイドライン
geno2pheno 他



HBVモジュール

- ◆対応する領域
Polymerase、HBsAg、Core、Pre-core、Pre-S1、Pre-S2、X gene、全ゲノム
- ◆解析内容
サブタイピング、高解像度サブタイピング、アミノ酸変異検出、ヌクレオチド変異検出、NGS品質レポート、薬剤耐性解析
- ◆参照可能なデータベース、ガイドライン
SeqHepB、Vaccine escape assessment、Advanced liver disease prognosis



その他モジュール

その他の微生物種用のモジュールについては、弊社HPをご参照ください。



・ HPV
・ CMV
・ HSV
・ CoV2



・ TB

ライブラリー調整キットも販売中！

DeepChek®/MicrobioChek®ソフトウェアとのシームレスな連携を可能にするライブラリー調整キットも販売中です。複数の病原体のジェノタイピングを同一のNGSランで実施することが可能です。



フィルジェン 株式会社



【お問い合わせ】 バイオインフォマティクス部

TEL : 052-624-4388 FAX : 052-624-4389

メール : biosupport@filgen.jp URL : <https://filgen.jp/>

代理店